

FIG. 36

GGAAATAATAACGCATGCAAGAATCAGTGCATTCGACTTGAGAAA G N N N A C K N Q C I R L E K	45
GCACGACATGGGTCTTGCAACTATGTCTTCCCAGCTCACAAAGTGT A R H G S C N Y V F P A H K C	90
ATCIGTTATTTCCCTTGTTAA <u>TTCCATAAACTCTTCGGTGGTTAA</u> I C Y F P C *	135
TAGTGTGCGCATATTACATATAATTAATAAGTTTGTGTCACTATT	180
TATTAGTGACTTTATGACATGTGCCAGGTATGTTTATGTTGGGTT	225
GGTTGTAATATAAAAAAGTTCACGGATAATAAGATGATAAGCTCA	270
CGTGCCTCAAAAAA	284